

das Projekt

die Pipelines

**AQUAMIS** und die QC Entscheidu

Allele calling mit chewieSnake

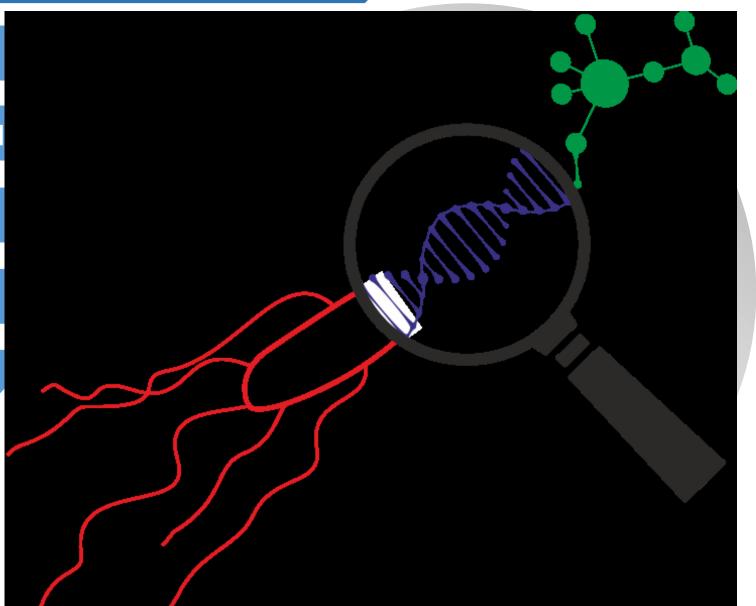
**Gemeinsame GenoSalmSurv Datenbank** 

Metachewiereport + Interpretation

Demo einer Ausbruchsanalyse 7

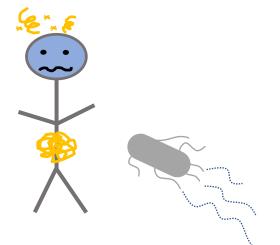
Installationshilfe

1



### das Projekt

Salmonella



Familie: Enterobacteriaceae

Genus / Gattung: Salmonella

Spezies: S. bongori

**Subspezies:** 

S. enterica

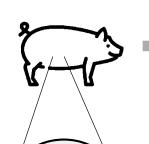
enterica (I)

salamae (II) diarizonae (IIIb)

arizonae (IIIa)

houtenae (IV)

indica (VI)









Salmonellose

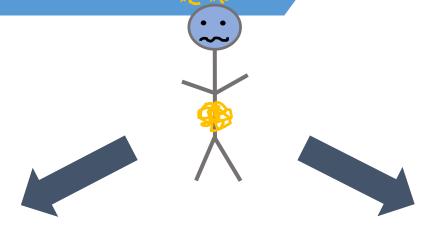




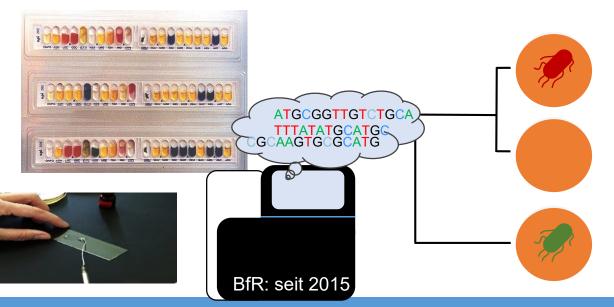


### das Projekt

#### Standardverfahren

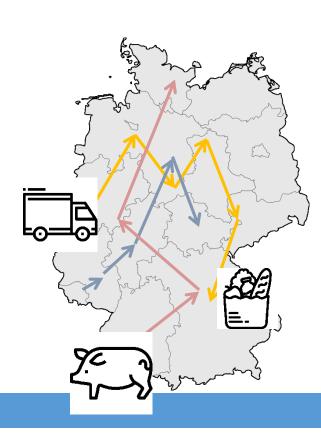


#### Labordiagnostik zur Typisierung des Ausbruchsstamms



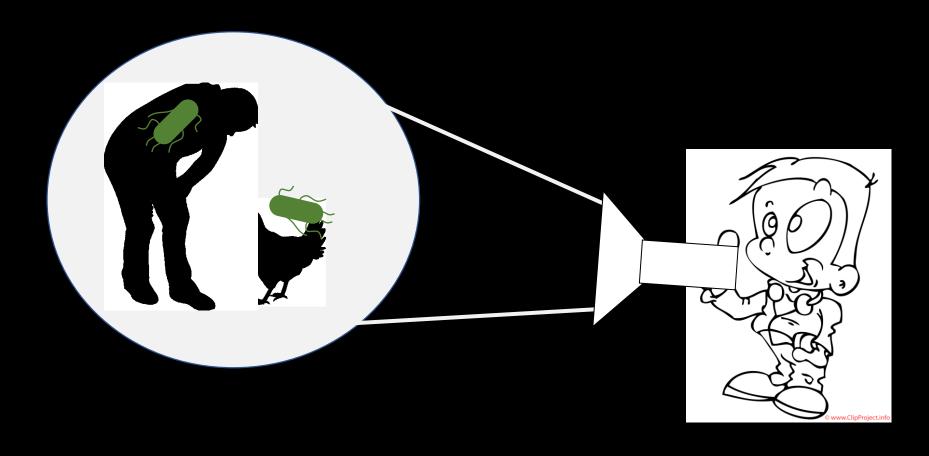
# Epidemiologie und Rückverfolgung

- Befragungen
- Warenketten
- Inspektionen
- •

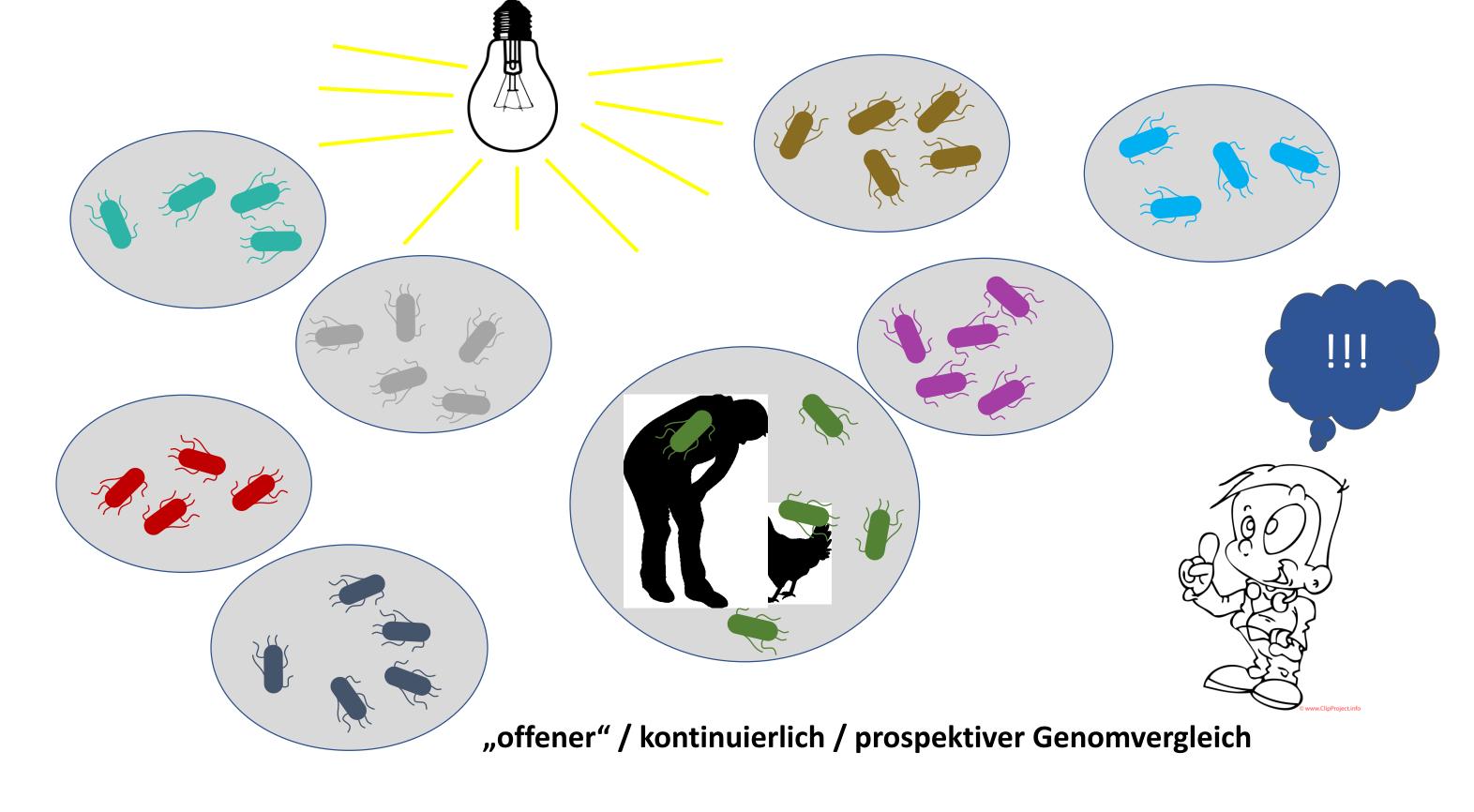


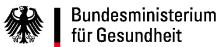
### das Projekt

#### **Matrix Bundesland Datum Genom-basierte Typisierung BW** 02.03.21 Typisierung (Spezies, Subspezies, Serovar) Detektion von Antibiotikaresistenzgenen Virulenzgenen **BW** 15.03.21 Serotyp-bestimmenden Loci **ATGCGGTTGTCTGCATTTAT** Plasmiden/ mobilen Elementen CACTTTCTTGAAAATGCGC GCAAGTGCGCACTG Impfstamm-Markern phylogenetische Analysen / BY 22.02.21 Clusterbestimmung Sequenzdaten



"gezielter" / anlassbezogener / reaktiv Genomvergleich





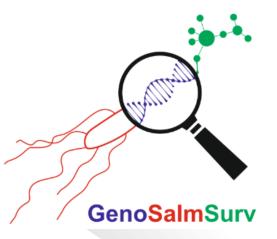
FRIEDRICH-LOEFFLER-INSTITUT

### das Projekt



Bundesforschungsinstitut für Tiergesundheit Federal Research Institute for Animal Health











Ziel: Aufbau einer <u>integrierten</u> genombasierten Surveillance für *Salmonellen* für den ,offenen' Genomvergleich



Zusammenführung der Genom-basierten Typisierungsdaten mit epidemiologischen Daten, sowie Daten der Lebensmittel-und Veterinärbehörden

das Projekt

die Pipelines

**AQUAMIS** und die QC Entscheidu

Allele calling with chewieSnake

**Gemeinsame GenoSalmSurv Datenbank** 

Metachewiereport + Interpretation

Demo einer Ausbruchsanalyse 7

Installationshilfe

1

